PAINEL PARA INFERTILIDADE FEMININA

O QUE É?

O Painel para Infertilidade Feminina é um exame genético abrangente que analisa 121 genes associados a diversas causas de dificuldade para engravidar. Diferente das investigações clínicas tradicionais, que muitas vezes não conseguem identificar a raiz do problema, este teste molecular busca alterações genéticas específicas que podem impactar a função ovariana, a ovulação, a reserva folicular, o desenvolvimento uterino e outras vias reprodutivas essenciais, oferecendo um diagnóstico mais preciso e direcionado.

A análise desses 121 genes, incluindo importantes como FSHR, LHCR, AMH (ligados à função ovariana), BMP15, GDF9, NOBOX (relacionados ao desenvolvimento oocitário), além de genes associados a síndromes como a Síndrome do X Frágil (FMR1) e a Síndrome de Kallmann (FGFR1, PROK2, GNRHR), aumenta significativamente a possibilidade de identificar a causa genética subjacente da infertilidade. Essas informações genéticas são cruciais para um plano de tratamento personalizado, permitindo a escolha de terapias mais eficazes e um aconselhamento reprodutivo preciso.

Este painel é especialmente recomendado para mulheres com infertilidade inexplicada, falha ovariana precoce, má resposta a tratamentos de reprodução assistida, histórico familiar de infertilidade ou síndromes genéticas. Ele complementa a avaliação clínica e laboratorial, fornecendo dados genéticos essenciais para um diagnóstico diferencial, auxiliando na escolha das melhores intervenções terapêuticas e no aconselhamento genético familiar, oferecendo esperança e clareza para casais que buscam a parentalidade.

GENES AVALIADOS

AARS2 AIRE AMH ANOS1 AR BMP15 BNC1 BTG4 BUB1B C14orf39 CCNB3 CCNO CDC20 CHD7 CLPP CYP11B1 CYP17A1 CYP19A1 CYP21A2 DCAF17 DHH EIF2B2 EIF4ENIF1 ERAL1 ERCC6 FANCA FANCM FBXO43 FGF8 FGFR1 FIGLA FMR1 FOXL2 FOXO3 FSHB FSHR GALT GDF9 GGPS1 GNRH1 GNRHR GREB1L HARS2 HESX1 HFM1 HJV HSD17B3 HSD17B4 HSD3B2 INSR KHDC3L KISS1 KISS1R KPNA7 LARS2 LEP LEPR LHCGR LMNA MAP3K1 MCM8 MCM9 MEI1 MEIOB MRPS22 MSH4 MSH5 NANOS3 NBN NLRP2 NLRP5 NLRP7 NOBOX NR5A1 NUP107 OOEP PADI6 PANX1 PATL2 PMM2 PNPLA6 POF1B POLG POLR3A POR PROK2 PROKR2 PROP1 PSMC3IP REC114 REC8 RNF216 SETX SLC29A3 SOHLH1 SOX10 SOX2 SOX8 SOX9 SRD5A2 STAG3 STAR STUB1 SYCE1 TAC3 TACR3 TBPL2 TBX6 TLE6 TRIM37 TRIP13 TUBB3 TUBB8 TWNK WEE2 WNT4 WT1 ZP1 ZP2 ZP3 (121)

METODOLOGIA

A análise é realizada por **Sequenciamento de Nova Geração (NGS)**, que permite a leitura detalhada do DNA, incluindo o DNA mitocondrial. Utiliza-se uma tecnologia avançada para capturar e sequenciar as regiões dos genes de interesse. Após o sequenciamento, as informações genéticas passam por uma **análise de bioinformática** robusta, que identifica possíveis alterações (variantes) no DNA. Essas variantes são descritas e **classificadas de acordo com as diretrizes internacionais da ACMG (American College of Medical Genetics and Genomics)**, que orientam a interpretação clínica dos achados.

É importante ressaltar que a precisão do exame depende das informações clínicas fornecidas pelo médico solicitante, fundamentais para a correta interpretação dos resultados.